



FIG.1

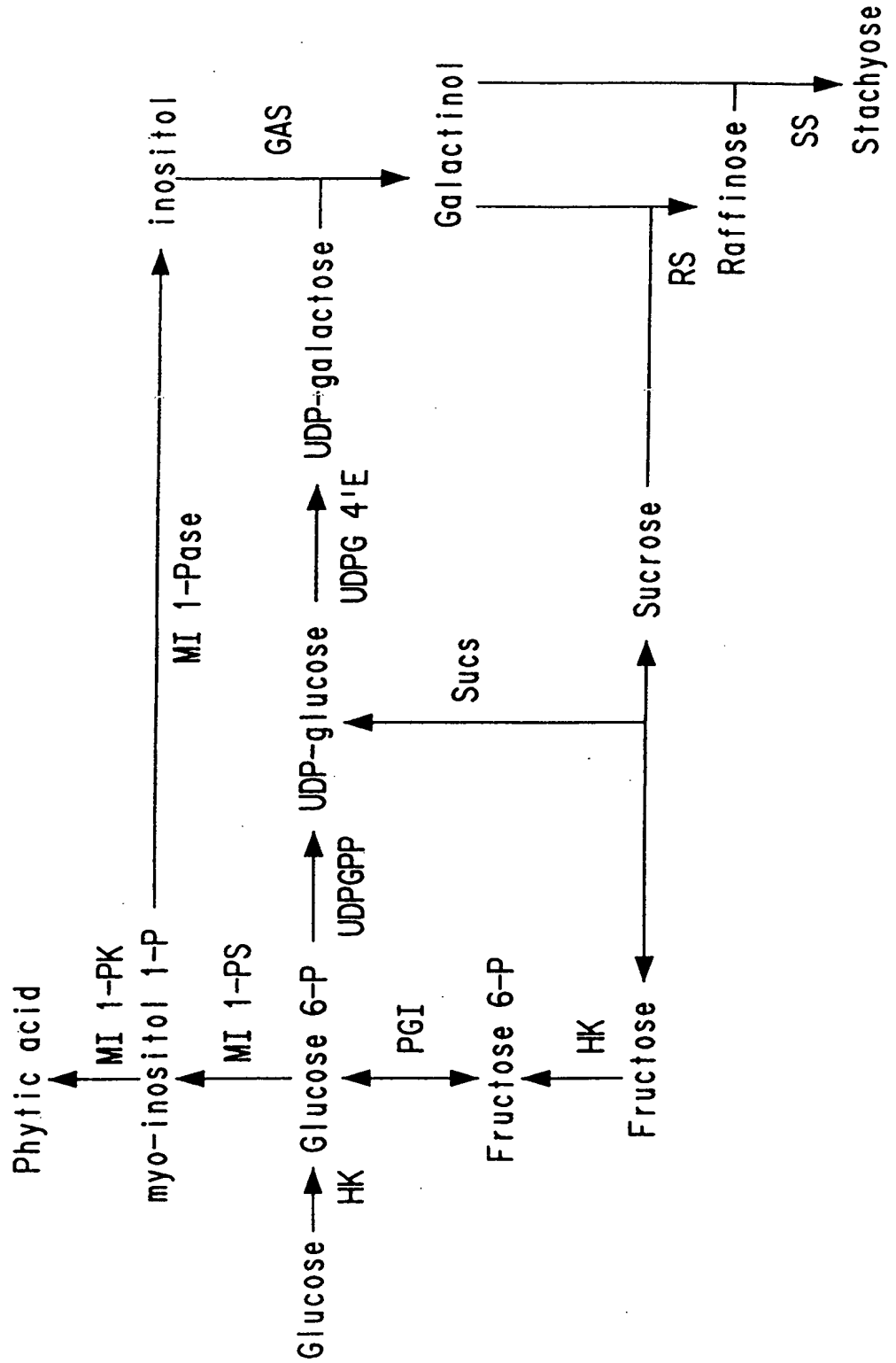


Figure 2

1  
 SEQ ID NO:1 ATGTTTCATCGAGAAATTTAAGGT**TGAGTGTCTTAATGTGAAGTACACCGAGACTGAGATT** 60  
 SEQ ID NO:5 ATGTTTCATCGAGAAATTTAAGGT**TGAGTGTCTTAATGTGAAGTACACCGAGACTGAGATT**  
 SEQ ID NO:9 ATGTTTCATCGAGAAATTTAAGGT**TGAGTGTCTTAATGTGAAGTACACCGAGACTGAGATT**  
 SEQ ID NO:11 ATGTTTCATCGAGAAATTTAAGGT**TGAGTGTCTTAATGTGAAGTACACCGAGACTGAGATT**  
 SEQ ID NO:13 ATGTTTCATCGAGAAATTTAAGGT**TGAGTGTCTTAATGTGAAGTACACCGAGACTGAGATT**  
 SEQ ID NO:15 ATGTTTCATCGAGAAATTTAAGGT**TGAGTGTCTTAATGTGAAGTACACCGAGACTGAGATT**

61  
 SEQ ID NO:1 CAGTCCGTGTACAACTACGAAACCACCGAACTTGTTCACGAGAACAGGAATGGCACCTAT 120  
 SEQ ID NO:5 CAGTCCGTGTACAACTACGAAACCACCGAACTTGTTCACGAGAACAGGAATGGCACCTAT  
 SEQ ID NO:9 CAGTCCGTGTACAACTACGAAACCACCGAACTTGTTCACGAGAACAGGAATGGCACCTAT  
 SEQ ID NO:11 CAGTCCGTGTACAACTACGAAACCACCGAACTTGTTCACGAGAACAGGAATGGCACCTAT  
 SEQ ID NO:13 CAGTCCGTGTACAACTACGAAACCACCGAACTTGTTCACGAGAACAGGAATGGCACCTAT  
 SEQ ID NO:15 CAGTCCGTGTACAACTACGAAACCACCGAACTTGTTCACGAGAACAGGAATGGCACCTAT

121  
 SEQ ID NO:1 CAGTGGATTGTCAAACCCCAATCTGTCAAATACGAATTTAAACCAACA**TCCATGTTCCCT** 180  
 SEQ ID NO:5 CAGTGGATTGTCAAACCCCAATCTGTCAAATACGAATTTAAACCAACA**TCCATGTTCCCT**  
 SEQ ID NO:9 CAGTGGATTGTCAAACCCCAATCTGTCAAATACGAATTTAAACCAACA**TCCATGTTCCCT**  
 SEQ ID NO:11 CAGTGGATTGTCAAACCCCAATCTGTCAAATACGAATTTAAACCAACA**TCCATGTTCCA**  
 SEQ ID NO:13 CAGTGGATTGTCAAACCCCAATCTGTCAAATACGAATTTAAACCAACA**TCCATGTTCCA**  
 SEQ ID NO:15 CAGTGGATTGTCAAACCCCAATCTGTCAAATACGAATTTAAACCAACA**TCCATGTTCCA**

181  
 SEQ ID NO:1 AAATTAGGGGTAAATGCTTTGGGTTGGGGTGGAAACAACGGCTCAACCCCTCACCCGGTGGT 240  
 SEQ ID NO:5 AAATTAGGGGTAAATGCTTTGGGTTGGGGTGGAAACAACGGCTCAACCCCTCACCCGGTGGT  
 SEQ ID NO:9 AAATTAGGGGTAAATGCTTTGGGTTGGGGTGGAAACAACGGCTCAACCCCTCACCCGGTGGT  
 SEQ ID NO:11 AAATTGGGGGTGATGCTTTGGGTTGGGGTGGAAACAACGGCTCAACCCCTCACCCGGTGGT  
 SEQ ID NO:13 AAATTGGGGGTGATGCTTTGGGTTGGGGTGGAAACAACGGCTCAACCCCTCACCCGGTGGT  
 SEQ ID NO:15 AAATTGGGGGTGATGCTTTGGGTTGGGGTGGAAACAACGGCTCAACCCCTCACCCGGTGGT

Figure 2 (cont.)

241  
SEQ ID NO:1 GTTATTGCTAACCGAGAGGGCAATTTCATGGGCTACAAAGACAAAGATTCAACAAGCCCAAT  
SEQ ID NO:5 GTTATTGCTAACCGAGAGGGCAATTTCATGGGCTACAAAGACAAAGATTCAACAAGCCCAAT  
SEQ ID NO:9 GTTATTGCTAACCGAGAGGGCAATTTCATGGGCTACAAAGACAAAGATTCAACAAGCCCAAT  
SEQ ID NO:11 GTTATTGCTAACAGAGAGGACATTCATGGGCTACAAAGACAAAGATTCAACAAGCCCAAT  
SEQ ID NO:13 GTTATTGCTAACAGAGAGGGCAATTTCATGGGCTACAAAGACAAAGATTCAACAAGCCCAAT  
SEQ ID NO:15 GTTATTGCTAACAGAGAGGGCAATTTCATGGGCTACAAAGACAAAGATTCAACAAGCCCAAT

301  
SEQ ID NO:1 TACTTTGGCTCCCTCACCCCAAGCCTCAGCTATCCGAGTTGGTCCCTCCAGGGAGAGGAA  
SEQ ID NO:5 TACTTTGGCTCCCTCACCCCAAGCCTCAGCTATCCGAGTTGGTCCCTCCAGGGAGAGGAA  
SEQ ID NO:9 TACTTTGGCTCCCTCACCCCAAGCCTCAGCTATCCGAGTTGGTCCCTCCAGGGAGAGGAA  
SEQ ID NO:11 TACTTTGGCTCCCTCACCCCAAGCCTCAGCTATTCGAGTTGGATCCCTCCAGGGAGAGGAA  
SEQ ID NO:13 TACTTTGGCTCCCTCACCCCAAGCCTCAGCTATTCGAGTTGGATCCCTCCAGGGAGAGGAA  
SEQ ID NO:15 TACTTTGGCTCCCTCACCCCAAGCCTCAGCTATTCGAGTTGGATCCCTCCAGGGAGAGGAA

361  
SEQ ID NO:1 ATCTATGCCCCATTCAAGAGCCTGCTTCCAATGGTTAACCTTGACGACATTGTGTTGGG  
SEQ ID NO:5 ATCTATGCCCCATTCAAGAGCCTGCTTCCAATGGTTAACCTTGACGACATTGTGTTGGG  
SEQ ID NO:9 ATCTATGCCCCATTCAAGAGCCTGCTTCCAATGGTTAACCTTGACGACATTGTGTTGGG  
SEQ ID NO:11 ATCTATGCCCCATTCAAGAGCTGCTTCCAATGGTTAACCTTGACGACATTGTGTTGGG  
SEQ ID NO:13 ATCTATGCCCCATTCAAGAGCTGCTTCCAATGGTTAACCTTGACGACATTGTGTTGGG  
SEQ ID NO:15 ATCTATGCCCCATTCAAGAGCTGCTTCCAATGGTTAACCTTGACGACATTGTGTTGGG

421  
SEQ ID NO:1 GGATGGGATATCAGCAACATGAACTGGCTGATGCCATGGCCAGGGCAAAGGTGTTGAC  
SEQ ID NO:5 GGATGGGATATCAGCAACATGAACTGGCTGATGCCATGGCCAGGGCAAAGGTGTTGAC  
SEQ ID NO:9 GGATGGGATATCAGCAACATGAACTGGCTGATGCCATGGCCAGGGCAAAGGTGTTGAC  
SEQ ID NO:11 GGATGGGATATCAGCAACATGAACTGGCTGATGCCATGGCCAGGGCAAAGGTGTTGAC  
SEQ ID NO:13 GGATGGGATATCAGCAACATGAACTGGCTGATGCCATGGCCAGGGCAAAGGTGTTGAC  
SEQ ID NO:15 GGATGGGATATCAGCAACATGAACTGGCTGATGCCATGGCCAGGGCAAAGGTGTTGAC



Figure 2 (cont.)

481  
SEQ ID NO:1 ATCGATTTCAGAACGAGTTGAGGCCCTTACATGGAATCCATGCTTCCACTCCCCGGAATC  
SEQ ID NO:5 ATCGATTTCAGAACGAGTTGAGGCCCTTACATGGAATCCATGCTTCCACTCCCCGGAATC  
SEQ ID NO:9 ATCGATTTCAGAACGAGTTGAGGCCCTTACATGGAATCCATGCTTCCACTCCCCGGAATC  
SEQ ID NO:11 ATCGATTTCAGAACGAGTTGAGGCCCTTACATGGAATCCATGCTTCCACTCCCCGGAATC  
SEQ ID NO:13 ATCGATTTCAGAACGAGTTGAGGCCCTTACATGGAATCCATGCTTCCACTCCCCGGAATC  
SEQ ID NO:15 ATCGATTTCAGAACGAGTTGAGGCCCTTACATGGAATCCATGCTTCCACTCCCCGGAATC

541  
SEQ ID NO:1 TATGACCCCGGATTTTCATTGCTGCCAACCAAGAGGAGCGTGCCCAACACACGTTCATCAAGGGC  
SEQ ID NO:5 TATGACCCCGGATTTTCATTGCTGCCAACCAAGAGGAGCGTGCCCAACACACGTTCATCAAGGGC  
SEQ ID NO:9 TATGACCCCGGATTTTCATTGCTGCCAACCAAGAGGAGCGTGCCCAACACACGTTCATCAAGGGC  
SEQ ID NO:11 TATGACCCCGGATTTTCATTGCTGCCAACCAAGAGGAGCGTGCCCAACACACGTTCATCAAGGGC  
SEQ ID NO:13 TATGACCCCGGATTTTCATTGCTGCCAACCAAGAGGAGCGTGCCCAACACACGTTCATCAAGGGC  
SEQ ID NO:15 TATGACCCCGGATTTTCATTGCTGCCAACCAAGAGGAGCGTGCCCAACACACGTTCATCAAGGGC

601  
SEQ ID NO:1 ACAAGCAAGAGCAAGTTCAACAAATCATCAAGACATCAAGGCGTTTAAGGAAGCCACC  
SEQ ID NO:5 ACAAGCAAGAGCAAGTTCAACAAATCATCAAGACATCAAGGCGTTTAAGGAAGCCACC  
SEQ ID NO:9 ACAAGCAAGAGCAAGTTCAACAAATCATCAAGACATCAAGGCGTTTAAGGAAGCCACC  
SEQ ID NO:11 ACAAGCAAGAGCAAGTTCAACAAATCATCAAGACATCAAGGCGTTTAAGGAAGCCACC  
SEQ ID NO:13 ACAAGCAAGAGCAAGTTCAACAAATCATCAAGACATCAAGGCGTTTAAGGAAGCCACC  
SEQ ID NO:15 ACAAGCAAGAGCAAGTTCAACAAATCATCAAGACATCAAGGCGTTTAAGGAAGCCACC

661  
SEQ ID NO:1 AAAGTGGACAAGGTGGTTGTACTGTGGACTGCCAACACAGAGAGGTACAGTAATTTGGTT  
SEQ ID NO:5 AAAGTGGACAAGGTGGTTGTACTGTGGACTGCCAACACAGAGAGGTACAGTAATTTGGTT  
SEQ ID NO:9 AAAGTGGACAAGGTGGTTGTACTGTGGACTGCCAACACAGAGAGGTACAGTAATTTGGTT  
SEQ ID NO:11 AAAGTGGACAAGGTGGTTGTACTGTGGACTGCCAACACAGAGAGGTACAGTAATTTGGTT  
SEQ ID NO:13 AAAGTGGACAAGGTGGTTGTACTGTGGACTGCCAACACAGAGAGGTACAGTAATTTGGTT  
SEQ ID NO:15 AAAGTGGACAAGGTGGTTGTACTGTGGACTGCCAACACAGAGAGGTACAGTAATTTGGTT



Figure 2 (cont.)

721  
SEQ ID NO:1 GTGGCCCTTAATGACACCATGGAGAATCTCTTGGCTGCTGTGGACAGAAATGAGGCTGAG 780  
SEQ ID NO:5 GTGGCCCTTAATGACACCATGGAGAATCTCTTGGCTGCTGTGGACAGAAATGAGGCTGAG  
SEQ ID NO:9 GTGGCCCTTAATGACACCATGGAGAATCTCTTGGCTGCTGTGGACAGAAATGAGGCTGAG  
SEQ ID NO:11 GTAGGCCCTTAATGACACCATGGAGAATCTCTTGGCTGCTGTGGACAGAAATGAGGCTGAG  
SEQ ID NO:13 GTAGGCCCTTAATGACACCATGGAGAATCTCTTGGCTGCTGTGGACAGAAATGAGGCTGAG  
SEQ ID NO:15 GTAGGCCCTTAATGACACCATGGAGAATCTCTTGGCTGCTGTGGACAGAAATGAGGCTGAG

781  
SEQ ID NO:1 ATTTCTCCTTCCACCTTGATGCCATTGCTTGTGTATGGAATAATGTTCTTTTCATTAAT 840  
SEQ ID NO:5 ATTTCTCCTTCCACCTTGATGCCATTGCTTGTGTATGGAATAATGTTCTTTTCATTAAT  
SEQ ID NO:9 ATTTCTCCTTCCACCTTGATGCCATTGCTTGTGTATGGAATAATGTTCTTTTCATTAAT  
SEQ ID NO:11 ATTTCTCCTTCCACCTTGATGCCATTGCTTGTGTATGGAATAATGTTCTTTTCATTAAT  
SEQ ID NO:13 ATTTCTCCTTCCACCTTGATGCCATTGCTTGTGTATGGAATAATGTTCTTTTCATTAAT  
SEQ ID NO:15 ATTTCTCCTTCCACCTTGATGCCATTGCTTGTGTATGGAATAATGTTCTTTTCATTAAT

841  
SEQ ID NO:1 GGAAGCCCTCAGAACACTTTGTACCAGGGCTGATTGATCTTGCCATCGCGAGGAACACT 900  
SEQ ID NO:5 GGAAGCCCTCAGAACACTTTGTACCAGGGCTGATTGATCTTGCCATCGCGAGGAACACT  
SEQ ID NO:9 GGAAGCCCTCAGAACACTTTGTACCAGGGCTGATTGATCTTGCCATCGCGAGGAACACT  
SEQ ID NO:11 GGAAGCCCTCAGAACACTTTGTACCAGGGCTGATTGATCTTGCCATCGCGAGGAACACT  
SEQ ID NO:13 GGAAGCCCTCAGAACACTTTGTACCAGGGCTGATTGATCTTGCCATCGCGAGGAACACT  
SEQ ID NO:15 GGAAGCCCTCAGAACACTTTGTACCAGGGCTGATTGATCTTGCCATCGCGAGGAACACT

901  
SEQ ID NO:1 TTGATTGGTGGAGATGACTTCAAGAGTGGTCAGACCAAAATGAAATCTGTGTGGTTGAT 960  
SEQ ID NO:5 TTGATTGGTGGAGATGACTTCAAGAGTGGTCAGACCAAAATGAAATCTGTGTGGTTGAT  
SEQ ID NO:9 TTGATTGGTGGAGATGACTTCAAGAGTGGTCAGACCAAAATGAAATCTGTGTGGTTGAT  
SEQ ID NO:11 TTGATTGGTGGAGATGACTTCAAGAGTGGTCAGACCAAAATGAAATCTGTGTGGTTGAT  
SEQ ID NO:13 TTGATTGGTGGAGATGACTTCAAGAGTGGTCAGACCAAAATGAAATCTGTGTGGTTGAT  
SEQ ID NO:15 TTGATTGGTGGAGATGACTTCAAGAGTGGTCAGACCAAAATGAAATCTGTGTGGTTGAT

961  
SEQ ID NO:1 TTCTTGTGGGGGCTGGTATCAAGCCCAACATCTATAGTCAGTTACAACCATCTGGGAAAC 1020  
SEQ ID NO:5 TTCTTGTGGGGGCTGGTATCAAGCCCAACATCTATAGTCAGTTACAACCATCTGGGAAAC  
SEQ ID NO:9 TTCTTGTGGGGGCTGGTATCAAGCCCAACATCTATAGTCAGTTACAACCATCTGGGAAAC  
SEQ ID NO:11 TTCTTGTGGGGGCTGGTATCAAGCCCAACATCTATAGTCAGTTACAACCATCTGGGAAAC  
SEQ ID NO:13 TTCTTGTGGGGGCTGGTATCAAGCCCAACATCTATAGTCAGTTACAACCATCTGGGAAAC  
SEQ ID NO:15 TTCTTGTGGGGGCTGGTATCAAGCCCAACATCTATAGTCAGTTACAACCATCTGGGAAAC

Figure 2 (cont.)

1021  
SEQ ID NO:1 AATGATGGTATGAATCTTTCGGCTCCACAAACTTTCGGTTCCAAGGAAATCTCCAAGAGC  
SEQ ID NO:5 AATGATGGTATGAATCTTTCGGCTCCACAAACTTTCGGTTCCAAGGAAATCTCCAAGAGC  
SEQ ID NO:9 AATGATGGTATGAATCTTTCGGCTCCACAAACTTTCGGTTCCAAGGAAATCTCCAAGAGC  
SEQ ID NO:11 AATGATGGTATGAATCTTTCGGCTCCACAAACCTTCGGCTCCAAGGAAATCTCCAAGAGC  
SEQ ID NO:13 AATGATGGTATGAATCTTTCGGCTCCACAAACCTTCGGCTCCAAGGAAATCTCCAAGAGC  
SEQ ID NO:15 AATGATGGTATGAATCTTTCGGCTCCACAAACCTTCGGCTCCAAGGAAATCTCCAAGAGC

1081  
SEQ ID NO:1 AACGTTGTTGATGATATGGTCAACAGCAATGCCATCCTCTATGAGCCTGGTGAACATCCA  
SEQ ID NO:5 AACGTTGTTGATGATATGGTCAACAGCAATGCCATCCTCTATGAGCCTGGTGAACATCCA  
SEQ ID NO:9 AACGTTGTTGATGATATGGTCAACAGCAATGCCATCCTCTATGAGCCTGGTGAACATCCA  
SEQ ID NO:11 AACGTTGTTGACGATATGGTCAACAGCAATGCCATCCTCTATGAGCCTGGTGAACATCCC  
SEQ ID NO:13 AACGTTGTTGACGATATGGTCAACAGCAATGCCATCCTCTATGAGCCTGGTGAACATCCC  
SEQ ID NO:15 AACGTTGTTGACGATATGGTCAACAGCAATGCCATCCTCTATGAGCCTGGTGAACATCCC

1141  
SEQ ID NO:1 GACCATGTTGTTATTAAAGTATGTGCCCTTACGTAGGGGACAGCAAGAGAGCCATGGAT  
SEQ ID NO:5 GACCATGTTGTTATTAAAGTATGTGCCCTTACGTAGGGGACAGCAATAGAGCCATGGAT  
SEQ ID NO:9 GACCATGTTGTTATTAAAGTATGTGCCCTTACGTAGGGGACAGCAAGAGAGCCATGGAT  
SEQ ID NO:11 GACCATGTTGTTATTAAAGTATGTGCCCTTACGTAGGGGATAGCAAGAGAGCCATGGAT  
SEQ ID NO:13 GACCATGTTGTTATTAAAGTATGTGCCCTTACGTAGGGGATAGCAAGAGAGCCATGGAT  
SEQ ID NO:15 GACCATGTTGTTATTAAAGTATGTGCCCTTACGTAGGGGATAGCAAGAGAGCCATGGAT

1200  
SEQ ID NO:1 GACCATGTTGTTATTAAAGTATGTGCCCTTACGTAGGGGACAGCAAGAGAGCCATGGAT  
SEQ ID NO:5 GACCATGTTGTTATTAAAGTATGTGCCCTTACGTAGGGGACAGCAATAGAGCCATGGAT  
SEQ ID NO:9 GACCATGTTGTTATTAAAGTATGTGCCCTTACGTAGGGGACAGCAAGAGAGCCATGGAT  
SEQ ID NO:11 GACCATGTTGTTATTAAAGTATGTGCCCTTACGTAGGGGATAGCAAGAGAGCCATGGAT  
SEQ ID NO:13 GACCATGTTGTTATTAAAGTATGTGCCCTTACGTAGGGGATAGCAAGAGAGCCATGGAT  
SEQ ID NO:15 GACCATGTTGTTATTAAAGTATGTGCCCTTACGTAGGGGATAGCAAGAGAGCCATGGAT

1260  
SEQ ID NO:1 GAGTACACTTCAGAGATATTTCATGGGTGGAAAGACACCATTTGTTTGCACAAACACATGC  
SEQ ID NO:5 GAGTACACTTCAGAGATATTTCATGGGTGGAAAGACACCATTTGTTTGCACAAACACATGC  
SEQ ID NO:9 GAGTACACTTCAGAGATATTTCATGGGTGGAAAGACACCATTTGTTTGCACAAACACATGC  
SEQ ID NO:11 GAGTACACTTCAGAGATATTTCATGGGTGGAAAGACACCATTTGTTTGCACAAACACATGT  
SEQ ID NO:13 GAGTACACTTCAGAGATATTTCATGGGTGGAAAGACACCATTTGTTTGCACAAACACATGT  
SEQ ID NO:15 GAGTACACTTCAGAGATATTTCATGGGTGGAAAGACACCATTTGTTTGCACAAACACATGT



Figure 2 (cont.)

1261  
SEQ ID NO:1 GAGGATTCCCTCTTAGCTGCTCCFATTATCTTGGACTTGGTCCCTTCTTGTGAGCTCAGC.  
SEQ ID NO:5 GAGGATTCCCTCTTAGCTGCTCCFATTATCTTGGACTTGGTCCCTTCTTGTGAGCTCAGC  
SEQ ID NO:9 GAGGATTCCCTCTTAGCTGCTCCFATTATCTTGGACTTGGTCCCTTCTTGTGAGCTCAGC  
SEQ ID NO:11 GAGGATTCCCTCTTAGCTGCTCCFATTATCTTGGACTTGGTCCCTTCTTGTGAGCTCAGC  
SEQ ID NO:13 GAGGATTCCCTCTTAGCTGCTCCFATTATCTTGGACTTGGTCCCTTCTTGTGAGCTCAGC  
SEQ ID NO:15 GAGGATTCCCTCTTAGCTGCTCCFATTATCTTGGACTTGGTCCCTTCTTGTGAGCTCAGC

1321  
SEQ ID NO:1 ACTAGATCGAGTTTAAAGCTGAAATGAGGGGAAAATTCACCTCATTCACCCAGTTGCT  
SEQ ID NO:5 ACTAGATCGAGTTTAAAGCTGAAATGAGGGGAAAATTCACCTCATTCACCCAGTTGCT  
SEQ ID NO:9 ACTAGATCGAGTTTAAAGCTGAAATGAGGGGAAAATTCACCTCATTCACCCAGTTGCT  
SEQ ID NO:11 ACTAGATCGAGTTTAAAGCTGAAATGAGGGGAAAATTCACCTCATTCACCCAGTTGCT  
SEQ ID NO:13 ACTAGATCGAGTTTAAAGCTGAAATGAGGGGAAAATTCACCTCATTCACCCAGTTGCT  
SEQ ID NO:15 ACTAGATCGAGTTTAAAGCTGAAATGAGGGGAAAATTCACCTCATTCACCCAGTTGCT

1381  
SEQ ID NO:1 ACCATCTCAGCTACCTCACCAAGGCTCCTCTGTTCCACCCGGGTACACCAGTGGTGAAT  
SEQ ID NO:5 ACCATCTCAGCTACCTCACCAAGGCTCCTCTGTTCCACCCGGGTACACCAGTGGTGAAT  
SEQ ID NO:9 ACCATCTCAGCTACCTCACCAAGGCTCCTCTGTTCCACCCGGGTACACCAGTGGTGAAT  
SEQ ID NO:11 ACCATCTCAGCTACCTCACCAAGGCTCCTCTGTTCCACCCGGGTACACCAGTGGTGAAT  
SEQ ID NO:13 ACCATCTCAGCTACCTCACCAAGGCTCCTCTGTTCCACCCGGGTACACCAGTGGTGAAT  
SEQ ID NO:15 ACCATCTCAGCTACCTCACCAAGGCTCCTCTGTTCCACCCGGGTACACCAGTGGTGAAT

1441  
SEQ ID NO:1 GCATTGTCAAAGCAGCGTGCAATGCTGGAAAACATAATGAGGGCTTGTGTTGGATTGGCC  
SEQ ID NO:5 GCATTGTCAAAGCAGCGTGCAATGCTGGAAAACATAATGAGGGCTTGTGTTGGATTGGCC  
SEQ ID NO:9 GCATTGTCAAAGCAGCGTGCAATGCTGGAAAACATAATGAGGGCTTGTGTTGGATTGGCC  
SEQ ID NO:11 GCATTGTCAAAGCAGCGTGCAATGCTGGAAAACATAATGAGGGCTTGTGTTGGATTGGCC  
SEQ ID NO:13 GCATTGTCAAAGCAGCGTGCAATGCTGGAAAACATAATGAGGGCTTGTGTTGGATTGGCC  
SEQ ID NO:15 GCATTGTCAAAGCAGCGTGCAATGCTGGAAAACATAATGAGGGCTTGTGTTGGATTGGCC

1501  
SEQ ID NO:1 CCAGAGAATAACATGATTCTCGAGTACAAGTGA  
SEQ ID NO:5 CCAGAGAATAACATGATTCTCGAGTACAAGTGA  
SEQ ID NO:9 CCAGAGAATAACATGATTCTCGAGTACAAGTGA  
SEQ ID NO:11 CCAGAGAATAACATGATTCTCGAGTACAAGTGA  
SEQ ID NO:13 CCAGAGAATAACATGATTCTCGAGTACAAGTGA  
SEQ ID NO:15 CCAGAGAATAACATGATTCTCGAGTACAAGTGA





Figure 3 (cont.)

241  
SEQ ID NO:2 VGLNDTMENLLAAVDRNEAEISPTLYAIACVMENVPFFINGSPQNTFVPGGLIDLAIARNT 300  
SEQ ID NO:6 VGLNDTMENLLAAVDRNEAEISPTLYAIACVMENVPFFINGSPQNTFVPGGLIDLAIARNT  
SEQ ID NO:10 VGLNDTMENLLAAVDRNEAEISPTLYAIACVMENVPFFINGSPQNTFVPGGLIDLAIARNT  
SEQ ID NO:12 VGLNDTMENLLAAVDRNEAEISPTLYAIACVMENVPFFINGSPQNTFVPGGLIDLAIARNT  
SEQ ID NO:14 VGLNDTMENLLAAVDRNEAEISPTLYAIACVMENVPFFINGSPQNTFVPGGLIDLAIARNT  
SEQ ID NO:16 VGLNDTMENLLAAVDRNEAEISPTLYAIACVMENVPFFINGSPQNTFVPGGLIDLAIARNT

301  
SEQ ID NO:2 LIGGDDFKSGQTKMKSVLVDFLVGAGIKPTSIYNHLGNNDGMNLSAPQTFRSKEISKS 360  
SEQ ID NO:6 LIGGDDFKSGQTKMKSVLVDFLVGAGIKPTSIYNHLGNNDGMNLSAPQTFRSKEISKS  
SEQ ID NO:10 LIGGDDFKSGQTKMKSVLVDFLVGAGIKPTSIYNHLGNNDGMNLSAPQTFRSKEISKS  
SEQ ID NO:12 LIGGDDFKSGQTKMKSVLVDFLVGAGIKPTSIYNHLGNNDGMNLSAPQTFRSKEISKS  
SEQ ID NO:14 LIGGDDFKSGQTKMKSVLVDFLVGAGIKPTSIYNHLGNNDGMNLSAPQTFRSKEISKS  
SEQ ID NO:16 LIGGDDFKSGQTKMKSVLVDFLVGAGIKPTSIYNHLGNNDGMNLSAPQTFRSKEISKS

361  
SEQ ID NO:2 NVVDDMVNSNAILYEPGEHPDHVVVIKYVPYVGDSKRAMDEYTSIIFMGGKSTIVLHNTC 420  
SEQ ID NO:6 NVVDDMVNSNAILYEPGEHPDHVVVIKYVPYVGDSKRAMDEYTSIIFMGGKSTIVLHNTC  
SEQ ID NO:10 NVVDDMVNSNAILYEPGEHPDHVVVIKYVPYVGDSKRAMDEYTSIIFMGGKSTIVLHNTC  
SEQ ID NO:12 NVVDDMVNSNAILYEPGEHPDHVVVIKYVPYVGDSKRAMDEYTSIIFMGGKSTIVLHNTC  
SEQ ID NO:14 NVVDDMVNSNAILYEPGEHPDHVVVIKYVPYVGDSKRAMDEYTSIIFMGGKSTIVLHNTC  
SEQ ID NO:16 NVVDDMVNSNAILYEPGEHPDHVVVIKYVPYVGDSKRAMDEYTSIIFMGGKSTIVLHNTC

421  
SEQ ID NO:2 EDSLLAAPIIIDLVLLELSTRIEFKAENEGKFHSFHPVATILSYLTAKPLVPPGTPVVN 480  
SEQ ID NO:6 EDSLLAAPIIIDLVLLELSTRIEFKAENEGKFHSFHPVATILSYLTAKPLVPPGTPVVN  
SEQ ID NO:10 EDSLLAAPIIIDLVLLELSTRIEFKAENEGKFHSFHPVATILSYLTAKPLVPPGTPVVN  
SEQ ID NO:12 EDSLLAAPIIIDLVLLELSTRIEFKAENEGKFHSFHPVATILSYLTAKPLVPPGTPVVN  
SEQ ID NO:14 EDSLLAAPIIIDLVLLELSTRIEFKAENEGKFHSFHPVATILSYLTAKPLVPPGTPVVN  
SEQ ID NO:16 EDSLLAAPIIIDLVLLELSTRIEFKAENEGKFHSFHPVATILSYLTAKPLVPPGTPVVN

481  
SEQ ID NO:2 ALSKQRAMLENIMRACVGLAPENNMILEYK 511  
SEQ ID NO:6 ALSKQRAMLENIMRACVGLAPENNMILEYK  
SEQ ID NO:10 ALSKQRAMLENIMRACVGLAPENNMILEYK  
SEQ ID NO:12 ALSKQRAMLENIMRACVGLAPENNMILEYK  
SEQ ID NO:14 ALSKQRAMLENIMRACVGLAPENNMILEYK  
SEQ ID NO:16 ALSKQRAMLENIMRACVGLAPENNMILEYK